



MBS – SZKOLENIA, KONFERENCJE, USŁUGI SP. Z O.O.
ul. Grajewska 6/8 m. 26, 03-766 Warszawa
Tel. (22) 403 73 43; (22) 668 24 83; 793 556 413; 607 929 471
E-mail: mbs@mbs.biz.pl; <http://www.mbs.biz.pl>

Warszawa, 09.01. 2019 r.

Szanowni Państwo!

Serdecznie zapraszamy do udziału w szkoleniu:

GENOMIKA FUNKCJONALNA U EUKARIOTA

Sekwencjonowanie genomu jest dopiero wstępem do zrozumienia funkcjonowania organizmu na poziomie molekularnym. Kolejnym etapem jest odnalezienie w sekwencji rejonów kodujących białka oraz RNA nie kodujących białka (miRNA, lcnRNA i inne) a następnie przewidzenie ich funkcji w organizmie.

Pierwszym etapem regulacji ekspresji genów jest transkrypcja. Transkrypcja genów jest regulowana przez wiele czynników, część z nich można zidentyfikować analizując sekwencje DNA komputerowo.

Kolejnym etapem regulacji ekspresji jest translacja. miRNA reguluje ekspresję wielu genów degradując ich mRNA lub blokując translację. Sekwencje w mRNA rozpoznawane przez miRNA można również zidentyfikować komputerowo i określić jakie miRNA mogą regulować ekspresję danego genu na etapie translacji.

Jak połączyć cały zasób wiedzy na temat działania konkretnej komórki w jedną całość? W pewnym stopniu pozwalają to zrobić narzędzia opracowane przez Genome Ontology Consortium. Podczas szkolenia uczestnicy praktycznie zapoznają się z komputerowymi metodami identyfikacji genów kodujących białka, identyfikacji sekwencji rozpoznawanych przez miRNA, miejsc wiązania czynników transkrypcyjnych oraz ontologią genów.

PROGRAM SZKOLENIA

I dzień	
09:00 – 09:10	Otwarcie szkolenia
09:10 – 10:10	Identyfikacja rejonów kodujących białka w sekwencjach DNA - wykład I
10:10 – 11:10	Programy do annotacji sekwencji DNA - wykład II
11:10 – 11:25	Przerwa
11:25 – 12:25	Znajdowanie genów kodujących białka w sekwencji DNA (programy AUGUSTUS, GeneID, GenScan, Beijing Gene Finder) - ćwiczenie 1
12:25 – 13:25	RNA niekodujące białek i możliwości ich komputerowej identyfikacji - wykład III
13:25 – 13:40	Przerwa
13:40 – 14:40	Identyfikacja genów, których ekspresja może być regulowana przez miRNA (ComiR, miRmap) - ćwiczenie 2
14:40 – 15:40	Transkrypcja, regulacyjne rejony genów i ich struktura - wykład IV
II dzień	
09:00 – 10:00	Programy i metody bioinformatycznej analizy promotorów i enhancerów - wykład V
10:00 – 11:30	Identyfikacja miejsc wiązania czynników transkrypcyjnych w promotorach (programy LASAGNA, MAPPER2) - ćwiczenie 3
11:30 – 11:45	Przerwa
11:45 – 12:45	Ontologia genów (GO) - model sieci powiązań między genami, białkami i ich funkcjami - wykład VI
12:45 – 14:00	Ontologia genów - PANTHER - ćwiczenie 4
14:00	Zakończenie szkolenia

Prowadzący: Dr hab. Tadeusz Malewski

Termin: 07 - 08 marca 2019

Miejsce: Centrum Edukacyjne, Warszawa, ul. Wspólna 56.

Zgłoszenia przyjmowane są poprzez formularz na stronie <http://www.mbs.biz.pl/form.php>.

Zgłoszenia oraz opłaty należy przesyłać do dnia 28 lutego 2019 r.

Ponieważ ilość miejsc jest ograniczona organizatorzy zastrzegają sobie prawo do wcześniejszego zamknięcia listy w przypadku wyczerpania wolnych miejsc.

Opłata za udział w kursie wynosi 1400 zł netto + 23% VAT.

Zamawiający zwolniony z podatku VAT proszony jest o dostarczenie drogą elektroniczną (e-mail: mbs@mbs.biz.pl) stosownego oświadczenia.

Opłata obejmuje:

- udział w szkoleniu
- materiały szkoleniowe
- przerwy kawowe
- konsultacje z prowadzącym

Uczestnicy otrzymają dyplom ukończenia szkolenia.

Opłatę należy wpłacić na konto:

MBS Szkolenia, Konferencje, Usługi Sp. z o.o.
03-766 Warszawa, ul. Grajewska 6/8 m. 26

Bank Polska Kasa Opieki S.A. Oddział w Warszawie
80 1240 6074 1111 0010 4915 6042

Przy wpłacie prosimy o podanie nazwiska osoby, której udział w kursie jest opłacany.

Dodatkowych informacji udziela:

Dr Arleta Malewska: mbs@mbs.biz.pl, Tel (22) 668 24 83; 607 929 471

UWAGA

W związku z wymogami RODO na karcie zgłoszenia znajdują się punkty dotyczące wyrażenia przez Państwa zgody na przetwarzanie danych osobowych.

Ich zaznaczenie jest niezbędne abyśmy mogli przyjąć Państwa na szkolenie (pierwsza zgoda) i abyśmy mogli przesyłać Państwu informacje o szkoleniach (druga zgoda).