



MBS – SZKOLENIA, KONFERENCJE, USŁUGI SP. Z O.O.
ul. Grajewska 6/8 m. 26, 03-766 Warszawa
Tel. (22) 403 73 43; (22) 668 24 83; 793 556 413; 607 929 471
E-mail: mbs@mbs.biz.pl; <http://www.mbs.biz.pl>

Warszawa, 18.06.2019 r.

Szanowni Państwo!

Serdecznie zapraszamy do udziału w kursie:

METYLACJA DNA

Metylacja DNA jest odpowiedzialna za wiele procesów związanych z rozwojem organizmów – w szczególności za wytworzenie i utrzymywanie specyfikacji tkankowej. U ssaków około 5% reszt cyzotynowych jest stale zmetylowanych. U roślin procent metylacji jest zazwyczaj większy i często wynosi nawet 30%. U zwierząt i roślin podczas wczesnych faz rozwoju zachodzą zmiany profilu metylacji. Duży odsetek zmetylowanych nukleotydów stanowi sygnał dla białek uczestniczących w regulacji struktury chromatyny nakazujący inicjację procesów kondensacji chromatyny, co jest równoznaczne z przemianą euchromatyny w heterochromatynę. Zmiana metylacji części regulatorowej genu może wpłynąć na jego ekspresję. Metylacja DNA może być również bardzo dobrym parametrem w diagnostyce wielu chorób.

PROGRAM KURSU

Dzień 1	
09:00 – 09:10	Otwarcie kursu
09:10 – 10:10	Metody badania metylacji DNA – wykład I
10:10 – 10:30	Metylacja DNA – ćwiczenie 1 Cz. I. Reakcja z bisulfitem
10:30 – 11:30	Warunki prawidłowego sekwencjonowania kwasów nukleinowych – wykład II
11:30 – 12:30	Mechanizmy metylacji i demetylacji DNA – wykład III
12:30 – 12:50	Metylacja DNA – ćwiczenie 1 Część II. Oczyszczanie DNA po reakcji z bisulfitem
12:50 – 13:10	Metylacja DNA – ćwiczenie 2 Część I. Nastawienie reakcji PCR
13:10 – 13:45	Przerwa
13:45 – 14:45	Sekwencjonowanie DNA wczoraj i dziś – wykład IV
14:45 – 15:00	Amplifikacja DNA do sekwencjonowania – ćwiczenie 2 Część II. Elektroforeza produktu PCR
15:00 – 15:20	Amplifikacja DNA do sekwencjonowania – ćwiczenie 2 Część III. Oczyszczanie produktu PCR
15:20 – 15:40	Amplifikacja DNA do sekwencjonowania – ćwiczenie 2 Część IV. Nastawienie reakcji PCR sekwencyjnego
Dzień 2	
09:00 – 09:20	Amplifikacja DNA do sekwencjonowania – ćwiczenie 2 Część V. Oczyszczanie produktu PCR sekwencyjnego
09:20 – 09:50	Sekwencjonowanie DNA – ćwiczenie 3
09:50 – 10:20	Analiza metylacji metodą Real-Time PCR – ćwiczenie 4
10:20 – 11:30	Programy do oceny jakości sekwencji, budowa kontigów DNA – wykład V
11:30 – 12:30	Analiza metylacji DNA metodą HRM Real-Time PCR – wykład VI
12:30 – 13:30	Wpływ metylacji DNA na funkcjonowanie genomu – wykład VII
13:30 – 14:00	Omówienie wyników doświadczeń
14:00	Zakończenie kursu

Prowadzący: prof. dr hab. Tadeusz Malewski

Termin: 13 – 14 grudnia 2019 roku

Miejsce: Muzeum i Instytut Zoologii PAN, ul. Wilcza 64 Warszawa

Zgłoszenia przyjmowane są poprzez formularz na stronie <http://www.mbs.biz.pl/form.php>.

Zgłoszenia oraz opłaty należy przesyłać do dnia 6 grudnia 2019 r.

Ponieważ ilość miejsc jest ograniczona organizatorzy zastrzegają sobie prawo do wcześniejszego zamknięcia listy w przypadku wyczerpania wolnych miejsc.

Opłata za udział w kursie wynosi 1400 zł netto + 23% VAT.

Zamawiający zwolniony z podatku VAT proszony jest o dostarczenie drogą elektroniczną (e-mail: mbs@mbs.biz.pl) stosownego oświadczenia.

Opłata obejmuje:

- udział w szkoleniu
- materiały szkoleniowe
- przerwy kawowe
- konsultacje z prowadzącym

Uczestnicy otrzymają dyplom ukończenia szkolenia.

Opłatę należy wpłacić na konto:

MBS Szkolenia, Konferencje, Usługi Sp. z o.o.
03-766 Warszawa, ul. Grajewska 6/8 m. 26

Bank Polska Kasa Opieki S.A. Oddział w Warszawie
80 1240 6074 1111 0010 4915 6042

Przy wpłacie prosimy o podanie nazwiska osoby, której udział w kursie jest opłacany.

Dodatkowych informacji udziela:

Dr Arleta Malewska: mbs@mbs.biz.pl, Tel (22) 668 24 83; 607 929 471

UWAGA

W związku z wymogami RODO na karcie zgłoszenia znajdują się punkty dotyczące wyrażenia przez Państwa zgody na przetwarzanie danych osobowych.

Ich zaznaczenie jest niezbędne abyśmy mogli przyjąć Państwa na szkolenie (pierwsza zgoda) i abyśmy mogli przesyłać Państwu informacje o szkoleniach (druga zgoda).